Domain organization and amino acid sequence of MTSP7
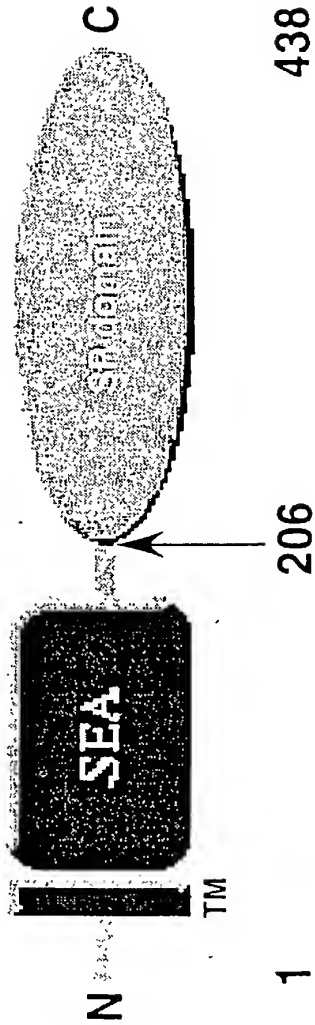

```
         10        20        30        40        50        60
MMYTPVEFSEAEFSRAEYQRKQQFWDSVRLALFTLAIVAIIGIAIGIVTHFVVEDDKSFY

         70        80        90       100       110       120
YLASFKVTNIKYKENYGIRSSREFIERSHQIERMMSRIFRHSSVGGRFIKSHVIKLSPDE

        130       140       150       160       170       180
QGVDILIVLIFRYPSTDSAEQIKKKIEKALYQSLKTKQLSLTINKPSFRLTPIDSKKMRN

        190       200       210       220       230       240
LLNSRCGIRMTSSNMPLPASSSTQRIVQGRETAMEGEWPWQASLQLIGSGHQCGASLISN

        250       260       270       280       290       300
TWLLTAAHCFWNKDPTQWIATFGATITPPAVKRNVRKIILHENYHRETNENDIALVQLS

        310       320       330       340       350       360
TGVEFSNIVQRVCLPDSSIKLPPKTSVFVTGFGSIVDDGPIQNTLRQARVETISTDVCNR

        370       380       390       400       410       420
KDVYDGLITPGMLCAGFMEGKIDACKGDSGGPLVYDNHDIWYIVGIVSWGQSCALPKKPG

        430
VYTRVTKYRDWIASKTGM*
```

= protease cleavage site

MTSP7/full length cDNA sequence Range: 1 to 2100

```
        10        20        30        40        50        60
AGATCAGATGGCGACTGAATAGAAGCTGCCCCAGTCCTGGGTTCATGATGTACACACCTG
TCTAGTCTACCGCTGACTTATCTTCGACGGGGTCAGGACCCAAGTACTACATGTGTGGAC

        70        80        90       100       110       120
TTGAATTTTCAGAAGCTGAATTCTCACGAGCTGAATATCAAAGAAAGCAGCAATTTTGGG
AACTTAAAAGTCTTCGACTTAAGAGTGCTCGACTTATAGTTTCTTTCGTCGTTAAAACCC

       130       140       150       160       170       180
ACTCAGTACGGCTAGCTCTTTTCACATTAGCAATTGTAGCAATCATAGGAATTGCAATTG
TGAGTCATGCCGATCGAGAAAAGTGTAATCGTTAACATCGTTAGTATCCTTAACGTTAAC

       190       200       210       220       230       240
GTATTGTTACTCATTTTGTTGTTGAGGATGATAAGTCTTTCTATTACCTTGCCTCTTTTA
CATAACAATGAGTAAAACAACAACTCCTACTATTCAGAAAGATAATGGAACGGAGAAAAT

       250       260       270       280       290       300
AAGTCACAAATATCAAATATAAAGAAAATTATGGCATAAGATCTTCAAGAGAGTTTATAG
TTCAGTGTTTATAGTTTATATTTCTTTTAATACCGTATTCTAGAAGTTCTCTCAAATATC

       310       320       330       340       350       360
AAAGGAGTCATCAGATTGAAAGAATGATGTCTAGGATATTTCGACATTCTTCTGTAGGCG
TTTCCTCAGTAGTCTAACTTTCTTACTACAGATCCTATAAAGCTGTAAGAAGACATCCGC

       370       380       390       400       410       420
GTCGATTTATCAAATCTCATGTTATCAAATTAAGTCCAGATGAACAAGGTGTGGATATTC
CAGCTAAATAGTTTAGAGTACAATAGTTTAATTCAGGTCTACTTGTTCCACACCTATAAG

       430       440       450       460       470       480
TTATAGTGCTCATATTTCGATACCCATCTACTGATAGTGCTGAACAAATCAAGAAAAAAA
AATATCACGAGTATAAAGCTATGGGTAGATGACTATCACGACTTGTTTAGTTCTTTTTTT

       490       500       510       520       530       540
TTGAAAAGGCTTTATATCAAAGTTTGAAGACCAAACAATTGTCTTTGACCATAAACAAAC
AACTTTTCCGAAATATAGTTTCAAACTTCTGGTTTGTTAACAGAAACTGGTATTTGTTTG

       550       560       570       580       590       600
CATCATTTAGACTCACACCTATTGACAGCAAAAAGATGAGGAATCTTCTCAACAGTCGCT
GTAGTAAATCTGAGTGTGGATAACTGTCGTTTTTCTACTCCTTAGAAGAGTTGTCAGCGA

       610       620       630       640       650       660
GTGGAATAAGGATGACATCTTCAAACATGCCATTACCAGCATCCTCTTCTACTCAAAGAA
CACCTTATTCCTACTGTAGAAGTTTGTACGGTAATGGTCGTAGGAGAAGATGAGTTTCTT

       670       680       690       700       710       720
TTGTCCAAGGAAGGGAAACAGCTATGGAAGGGGAATGGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGC
AACAGGTTCCTTCCCTTTGTCGATACCTTCCCCTTACCGGTACCGTCCGGTCGGAGGTCG

       730       740       750       760       770       780
TCATAGGGTCAGGCCATCAGTGTGGAGCCAGCCTCATCAGTAACACATGGCTGCTCACAG
AGTATCCCAGTCCGGTAGTCACACCTCGGTCGGAGTAGTCATTGTGTACCGACGAGTGTC

       790       800       810       820       830       840
CAGCTCACTGCTTTTGGAAAAATAAAGACCCAACTCAATGGATTGCTACTTTTGGTGCAA
GTCGAGTGACGAAAACCTTTTTATTTCTGGGTTGAGTTACCTAACGATGAAAACCACGTT

       850       860       870       880       890       900
CTATAACACCACCCGCAGTGAAACGAAATGTGAGGAAAATTATTCTTCATGAGAATTACC
GATATTGTGGTGGGCGTCACTTTGCTTTACACTCCTTTTAATAAGAAGTACTCTTAATGG

       910       920       930       940       950       960
ATAGAGAAACAAATGAAAATGACATTGCTTTGGTTCAGCTCTCTACTGGAGTTGAGTTTT
TATCTCTTTGTTTACTTTTACTGTAACGAAACCAAGTCGAGAGATGACCTCAACTCAAAA
```

```
           970       980       990      1000      1010      1020
CAAATATAGTCCAGAGAGTTTGCCTCCCAGACTCATCTATAAAGTTGCCACCTAAAACAA
GTTTATATCAGGTCTCTCAAACGGAGGGTCTGAGTAGATATTTCAACGGTGGATTTTGTT

          1030      1040      1050      1060      1070      1080
GTGTGTTCGTCACAGGATTTGGATCCATTGTAGATGATGGACCTATACAAAATACACTTC
CACACAAGCAGTGTCCTAAACCTAGGTAACATCTACTACCTGGATATGTTTTATGTGAAG

          1090      1100      1110      1120      1130      1140
GGCAAGCCAGAGTGGAAACCATAAGCACTGATGTGTGTAACAGAAAGGATGTGTATGATG
CCGTTCGGTCTCACCTTTGGTATTCGTGACTACACACATTGTCTTTCCTACACATACTAC

          1150      1160      1170      1180      1190      1200
GCCTGATAACTCCAGGAATGTTATGTGCTGGATTCATGGAAGGAAAAATAGATGCATGTA
CGGACTATTGAGGTCCTTACAATACACGACCTAAGTACCTTCCTTTTTATCTACGTACAT

          1210      1220      1230      1240      1250      1260
AGGGAGATTCTGGTGGACCTCTGGTTTATGATAATCATGACATCTGGTACATTGTAGGTA
TCCCTCTAAGACCACCTGGAGACCAAATACTATTAGTACTGTAGACCATGTAACATCCAT

          1270      1280      1290      1300      1310      1320
TAGTAAGTTGGGGACAATCATGTGCACTTCCCAAAAAACCTGGAGTCTACACCAGAGTAA
ATCATTCAACCCCTGTTAGTACACGTGAAGGGTTTTTTGGACCTCAGATGTGGTCTCATT

          1330      1340      1350      1360      1370      1380
CTAAGTATCGAGATTGGATTGCCTCAAAGACTGGTATGTAGTGTGGATTGTCCATGAGTT
GATTCATAGCTCTAACCTAACGGAGTTTCTGACCATACATCACACCTAACAGGTACTCAA

          1390      1400      1410      1420      1430      1440
ATACACATGGCACACAGAGCTGATACTCCTGCGTATTTTGTATTGTTTAAATTCATTTAC
TATGTGTACCGTGTGTCTCGACTATGAGGACGCATAAAACATAACAAATTTAAGTAAATG

          1450      1460      1470      1480      1490      1500
TTTGGATTAGTGCTTTTGCTAGATGTCAAGAAGCCCTTCAGACCCAGACAAATCTAATAT
AAACCTAATCACGAAAACGATCTACAGTTCTTCGGGAAGTCTGGGTCTGTTTAGATTATA

          1510      1520      1530      1540      1550      1560
CCTGAGGTGGCCTTTACATACGTAGGACCAAACCCTCTCTACCATGAGGGAAGAAGACAC
GGACTCCACCGGAAATGTATGCATCCTGGTTTGGGAGAGATGGTACTCCCTTCTTCTGTG

          1570      1580      1590      1600      1610      1620
AGCAAATGACAGACAGCACCTATTCCTTACTCACAAGGGAAACTGCTTGTGATACTTCCT
TCGTTTACTGTCTGTCGTGGATAAGGAATGAGTGTTCCCTTTGACGAACACTATGAAGGA

          1630      1640      1650      1660      1670      1680
AATAAGATAAATAAGTGGTTTCCCTCAATTGAAGACAGGAACATCATTTTCCACAGGATA
TTATTCTATTTATTCACCAAAGGGAGTTAACTTCTGTCCTTGTAGTAAAAGGTGTCCTAT

          1690      1700      1710      1720      1730      1740
TGAAGAGCTGCCAGTAATGCCAAAATCTTACCTCATATAATACCTGGAGCATGTGAGATT
ACTTCTCGACGGTCATTACGGTTTTAGAATGGAGTATATTATGGACCTCGTACACTCTAA

          1750      1760      1770      1780      1790      1800
CTTCTAGTGAAAAAGAACAGTCTTCCCTGAAGACTCAGGGCTTCAACATTCTAGAACTGA
GAAGATCACTTTTTCTTGTCAGAAGGGACTTCTGAGTCCCGAAGTTGTAAGATCTTGACT

          1810      1820      1830      1840      1850      1860
TAAGTGGACCTTCAGTGTGCAAGAATGGAGAAGCATGGGATTTGCATTATGACTTGAACT
ATTCACCTGGAAGTCACACGTTCTTACCTCTTCGTACCCTAAACGTAATACTGAACTTGA

          1870      1880      1890      1900      1910      1920
GGGCTTATATCTAATAATACAGAGCACTATCACTAACCTCAACAGTTGACATTTTAAAAG
CCCGAATATAGATTATTATGTCTCGTGATAGTGATTGGAGTTGTCAACTGTAAAATTTTC
```

```
         1930        1940        1950        1960        1970        1980
TTTTTAAATGTATCTGAACTTGCTGTTAACACAGTGTTATAACTCAAGCACTAGCTTCAG
AAAAATTTACATAGACTTGAACGACAATTGTGTCACAATATTGAGTTCGTGATCGAAGTC


         1990        2000        2010        2020        2030        2040
GAAGCATGTTGTGTTGTTAAGAAGCTTTTCTGATTTATTCTTTAACAGCATCTTGCCATC
CTTCGTACAACACAACAATTCTTCGAAAAGACTAAATAAGAAATTGTCGTAGAACGGTAG


         2050        2060        2070        2080        2090        2100
TATATGTTAGTAGCAGTTGGCCCAGAAAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ATATACAATCATCGTCAACCGGGTCTTTCCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
```